

Montags 16.15 – 17.45 Uhr, Seminarraum (Raum 310), Institut für Phytopathologie

Seminar zur aktuellen Forschung - Phytopathologie (agr049, 070224 und 070201), Wintersemester 2017/2018

Gäste sind herzlich willkommen!

Datum	Referent(in)	Thema
06.11.2017	Maximilian Teutsch Wiebke Lenge	Hairy roots as an efficient test system for genome editing in sugar beet Untersuchungen zum Einfluss von Sortenwahl und Bodenbearbeitung auf das epidemiologische Auftreten sowie Ausbreitungsmuster von <i>Fusarium culmorum</i> und <i>F. graminearum</i> in der Maiskultur Schleswig-Holsteins 2016
13.11.2017	Andreas Tillessen Katharina Hügel	Über den Einfluss von Fungizid-Applikationstechniken auf das Blattpathogen <i>Kabatiella zae</i> und die Mykotoxinbelastung im Silomais Bedeutung und Suche endophytischer Pilze in der Bekämpfung des Eschentriebsterbens und seinem Erreger <i>Hymenoscyphus fraxineus</i>
20.11.2017	Olav Haase	Regionale Untersuchung zur Befalls- und Schadensdynamik von Blattpathogenen und Mykotoxinbelastungen unter besonderer Berücksichtigung einer schwellenorientierten Fungizidapplikation gegen <i>Kabatiella zae</i> in der Maiskultur 2016
27.11.2017	Simon Hufnagel	Analyse des Sorteneinflusses hinsichtlich Epidemiologie und Populationsdynamik von <i>Kabatiella zae</i> und <i>Fusarium</i> -Spezies in der Maiskultur Schleswig-Holsteins
04.12.2017	Zhen Zhou	The role of miRNAs in regulating the expression of flavonol pathway genes and its possible impact on the cross talk between UV-B and flg22 signal cascades in <i>Arabidopsis</i>
11.12.2017	Markus Schemmel Nils Conrad	The core microbiome and its composition during successive wheat cultivation Untersuchungen zur Biologie und dem Schadpotenzial des Rapserrdflohs in Winterraps
18.12.2017	Yan Zhao	<i>AtSUC7</i> might enhance plant disease resistance and promote flowering in <i>Arabidopsis thaliana</i>
08.01.2018	Samarah Rizvi	Functional characterization of NAC transcription factors interacting with mir164 to modulate plant-fungus interaction
15.01.2018	Michael Pröbsting	Application of CRISPR-Cas9 genome editing systems for improving oilseed rape disease resistance
22.01.2018	Stefan Loof	Einfluss der Saatgutbeizung auf die Nitratreduktase-Aktivität
29.01.2018	Tolke Jensen	Optimierung der MS/MS-Parameter sowie der Probenaufbereitung im Rahmen der LC-HRMS/MS-Multi-Mykotoxin-Methodenentwicklung
05.02.2018	Shailja Singh Falk Behrens	Generation and characterization of recessive resistance to <i>Verticillium longisporum</i> in <i>Brassica napus</i> Molecular characterization of <i>Brassica napus</i> miRNA1885

Stand: 15.01.2018